| Name            | Primer Sequence                                                                 |
|-----------------|---------------------------------------------------------------------------------|
| 1-HRV           | 5'-GGGGTACCCTGGAAGTTCTGTTCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                         |
| 2-L/VP4         | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                  |
| 3-VP4/VP2       | 5'-GGGGTACCCCTGGAAGTTCTGTTACGAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                            |
| 4-VP2/VP3       | 5'-GGGGTACCGGAGCCGAGCGGGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                   |
| 5-VP3/VP1       | 5'-GGGGTACCCTGGAAGTTCTGTTACGAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                            |
| 6-VP1/2A        | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                  |
| 7-2B/2C         | 5'-GGGGTACCAAACTGTTCAAAAATGCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                      |
| 8-2C/3A         | 5'-GGGGTACCATCCAGACCCCTGTCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                        |
| 9-3A/3B         | 5'-GGGGTACCAAACTGTTCAAAAATGCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                      |
| 10-3B/3C        | 5'-GGGGTACCAAACTGTTCAAAAATGCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                      |
| 11-3C/3D        | 5'-GGGGTACCCTGGAAGTTCTGTTACGAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                            |
| 12-L/VP4.1      | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                  |
| 13-2B/2C.1      | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                 |
| 14-L/VP4.2      | 5'-GGGGTACCAAACTGTTCAAAAATGCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                      |
| 15-L/VP4.3      | 5'-GGGGTACCATCCAGACCCCTGTCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                        |
| 16-L/VP4.4      | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                 |
| 17-L/VP4.5      | 5'-GGGGTACCAAACTGTTCAAAAATGCAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                      |
| 18-L/VP4.6      | 5'-GGGGTACCCTGGAAGTTCTGTTACGAGGTTCCAGGTTGGTGGTAGCGGGTG-3'                      |
| 19-L/VP4.7      | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                 |
| 20-L/VP4.8      | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                 |
| 21-L/VP4.9      | 5'-GGGGTACCATCGTTTACGAAGTGGTGGTGGTAGCGGGTG-3'                                 |
| 22-pB33CGSY R   | 5'-ACAATGCAACTCCGGCGG-3'                                                        |
| 23-3CProtease F | 5'-GGGGCAAGTTTGTACAAAAAAAGCAGGCTTCGAAAACCTGTACTTTCCAGGTAATAAAGATGAAACAGCCAACGTTGGACAT-3' |
| 24-3CProtease R | 5'-GGGGCAAGTTTGTACAAAAAAAGCAGGCTTCGAAAACCTGTACTTTCCAGGTAATAAAGATGAAACAGCCAACGTTGGACAT-3' |
| 25-C160A 3CProtease F | 5'-TACAAAGAGGATGGCCGGCTCGGCGC-3'                                           |
| 26-C160A 3CProtease R | 5'-GATGCGGCTCGGCGC-3'                                                         |