| 申请项目名称 | 基于多组学联合分析的 COVID-19 生物标志物研究 |
|----------------|--------------------------------------------------|
| 研究课题来源 | 国家自然科学基金；省自然科学基金；其他 √ |
| 项目负责人 | 李继承 |
| 联系电话 | 13600511900 |
| Email | lijichen@zju.edu.cn |
| 审查 | 研究者资格：符合要求 √  不符合要求 □ |
| 获取知情同意书方式：适当 √  不适当 □ |
| 试验方案：适当 √  不适当 □ |
| 研究目的 | 研究将筛选新冠肺炎患者血液中差异表达的生物标志物。在筛选生物标志物的基础上，通过多组学关联与整合分析，研究旨在寻找新冠肺病毒标志物，为临床研究奠定基础。 |
| 研究内容（附研究方案） | 采用代谢组学技术筛选普通、重症新冠肺炎患者及社区获得性肺炎、健康对照组血液中差异表达的代谢物。通过 KEGG 功能富集分析，预测这些差异代谢物参与的主要代谢通路。借助 LASSO 回归和 logistics 回归，构建出新冠肺炎，以及重症新冠肺炎的有效诊断模型。同时，本研究将采用全转录组测序技术筛选差异表达的 RNA，并进行代谢组-转录组关联分析，为新冠肺病毒的病理机制研究提供新的线索。 |
| 审批结论 | 同意 |
| 同意 | 稿作修改 | 修改后再次会议讨论 | 不同意 |
| 审批意见 | 经研究所医学伦理委员会审议，认为“基于多组学联合分析的 COVID-19 生物标志物研究”研究方案和知情同意书符合伦理学原则。同意研究项目实施。 |
| 盖章： | 细胞生物学研究所 |